Ricercatori italiani sviluppano un metodo per migliorare la cura delle variazioni tumorali

La maggior parte delle mutazioni osservate nei tumori avrebbe origine da un numero limitato di cause principali, che se identificate con precisione potrebbero aprire nuove prospettive per diagnosi e cure personalizzate grazie nuovi algoritmi avanzati: è quanto emerge da uno studio condotto da ricercatori dell'Università Milano-Bicocca e dell'Università di Trieste, sottoposto a revisione paritaria e pubblicato sulla rivista scientifica Nucleic Acids Research. Attraverso particolari tecniche statistiche, i ricercatori hanno presentato RESOLVE, un metodo computazionale capace di analizzare gli sc...

Questo è un articolo di approfondimento riservato ai nostri abbonati. Scegli l'abbonamento che preferisci (al costo di un caffè la settimana) e prosegui con la lettura dell'articolo.

Se sei già abbonato effettua l'accesso qui sotto o utilizza il pulsante "accedi" in alto a destra.

ABBONATI / SOSTIENI

L'Indipendente non ha alcuna pubblicità né riceve alcun contributo pubblico. E nemmeno alcun contatto con partiti politici. **Esiste solo grazie ai suoi abbonati**. Solo così possiamo garantire ai nostri lettori un'informazione veramente libera, imparziale ma soprattutto senza padroni.
Grazie se vorrai aiutarci in questo progetto ambizioso.

Username

Password

☐ Ricordami

Accedi

Password dimenticata